

Datos del paciente

 Paciente: _____
 Edad: _____ Sexo: _____
 Fecha de toma de la muestra: / /

Muestra

 Código de la muestra: _____
 Tipo de muestra: Sangre periférica Médula ósea
 Ganglio Tejido fresco Tejido parafina

Centro remitente

 Centro remitente: _____
 Facultativo de contacto: _____
 Teléfono de contacto: _____

Datos clínicos

 Diagnóstico: _____
 Momento diagnóstico: Nuevo Seguimiento
 Trasplantado: Sí No
 Recibe quimioterapia: Sí No

Pruebas solicitadas
 INMUNOFENOTIPO LEUCOCITARIO (Tubo EDTA extra) ARRAY CGH ONCOHEMATOLÓGICO (Tubo EDTA extra)

Patología mieloide
LEUCEMIAS MIELOIDES AGUDAS

- | | |
|--|---|
| <input type="checkbox"/> Cariotipo | <input type="checkbox"/> FISH AML/ETO t(8;21) |
| <input type="checkbox"/> Cariotipo espectral | <input type="checkbox"/> FISH inv16 |
| <input type="checkbox"/> FISH PML/RAR t(15;17) | <input type="checkbox"/> FISH TP53(17p13) |
| <input type="checkbox"/> FISH MLL(11q) | <input type="checkbox"/> FISH BCR/ABL |
| <input type="checkbox"/> FISH ETV6(12p13) | |
| <input type="checkbox"/> Mutación FLT3 (ITD) | <input type="checkbox"/> Mutación WT1 (Ex 7,9) |
| <input type="checkbox"/> Mutación FLT3 (Ex 14,15,20) | <input type="checkbox"/> Mutación C-KIT (D816V) |
| <input type="checkbox"/> Mutación NPM1 (Ex 12) | <input type="checkbox"/> Mutación TET-2 (Ex 3-11) |
| <input type="checkbox"/> Mutación CEBPA GEN | <input type="checkbox"/> Mutación IDH1/IDH2 |
| <input type="checkbox"/> Mutación RAS | <input type="checkbox"/> Mutación ASXL1 |

SÍNDROMES MIELODISPLÁSICOS

- | | | |
|--|---|---|
| <input type="checkbox"/> Cariotipo | <input type="checkbox"/> FISH Cr 8 | <input type="checkbox"/> FISH 7q31 |
| <input type="checkbox"/> Cariotipo espectral | <input type="checkbox"/> FISH 5q31-34 | <input type="checkbox"/> FISH TP53(17p13) |
| | <input type="checkbox"/> FISH 20q | <input type="checkbox"/> FISH INV3 (EVI1) |
| <input type="checkbox"/> Mutación DNMT3A | <input type="checkbox"/> Mutación TET2 | |
| <input type="checkbox"/> Mutación SF3B1 | <input type="checkbox"/> Mutación ASXL1 | |
| <input type="checkbox"/> Mutación IDH1/IDH2 | | |

LEUCEMIA MIELOIDE CRÓNICA

- | | |
|---|---|
| <input type="checkbox"/> Cariotipo | <input type="checkbox"/> FISH BCR/ABL |
| <input type="checkbox"/> Mutación ABL | <input type="checkbox"/> Mutación SETBP1 (Exón 4) |
| <input type="checkbox"/> PCR BCR/ABL cualitativo | <input type="checkbox"/> Mutación CSF3R (T618I) |
| <input type="checkbox"/> PCR BCR/ABL cuantitativo | <input type="checkbox"/> Mutación CALR (Exón 9) |
| <input type="checkbox"/> Mutación CEBPBA | |

OTROS SÍNDROMES MIELOPROLIFERATIVOS

- | | |
|--|---|
| <input type="checkbox"/> Cariotipo | <input type="checkbox"/> FISH 20q |
| <input type="checkbox"/> Mutación JAK-2 (V617F) | <input type="checkbox"/> Si (-) JAK-2 (EXÓN 12) |
| <input type="checkbox"/> Mutación JAK-2 cuantitativo (V617F) | <input type="checkbox"/> Mutación MPL (505-515) |
| <input type="checkbox"/> Calreticulina (EXÓN 9) | <input type="checkbox"/> Mutación THPO |

SÍNDROME HIPEREOSINOFÍLICO

- | | | |
|-------------------------------------|--|--------------------------------------|
| <input type="checkbox"/> Cariotipo | <input type="checkbox"/> FISH FIP1L1PDGFRa | <input type="checkbox"/> FISH PDGFRb |
| <input type="checkbox"/> FISH FGFR1 | | |

Patología linfoide
LEUCEMIAS LINFOIDES AGUDAS

- | | |
|---|--|
| <input type="checkbox"/> Cariotipo | <input type="checkbox"/> FISH TP53(17p13) |
| <input type="checkbox"/> FISH ALK (2p23) | <input type="checkbox"/> FISH RUNX1 (21q) |
| <input type="checkbox"/> FISH p16 (CDKN2A) | <input type="checkbox"/> FISH MYB (6q23) |
| <input type="checkbox"/> FISH t(1;19) (TCF3/PBX1) | <input type="checkbox"/> FISH ETV6 (12p13) |
| <input type="checkbox"/> BCR/ABL cualitativo | <input type="checkbox"/> FISH BCR/ABL |

LEUCEMIA LIFOIDE CRÓNICA

- | | |
|--|---|
| <input type="checkbox"/> Cariotipo | |
| <input type="checkbox"/> FISH Perfil LLC | |
| <i>(Incluye TP53, ATM, 13q14, 6q23, CEP12)</i> | |
| <input type="checkbox"/> Estudio molecular PCR reordenamientos B | <input type="checkbox"/> Mutación NOTCH1 |
| <input type="checkbox"/> Estudio molecular PCR reordenamientos T | <input type="checkbox"/> Mutación SF3B1 |
| | <input type="checkbox"/> Mutación TP53mut |

LINFOMA

- | | |
|---|---|
| <input type="checkbox"/> Cariotipo | <input type="checkbox"/> FISH BCL-1 t(11;14) |
| <input type="checkbox"/> FISH MALT1 (18q21) | <input type="checkbox"/> FISH BCL-2 t(14;18) |
| <input type="checkbox"/> FISH c-MYC | <input type="checkbox"/> FISH BCL-6 (3q27) |
| <input type="checkbox"/> BRAF (leucemia células peludas) | <input type="checkbox"/> PCR reordenamientos B (IgH) |
| <input type="checkbox"/> Mutación STAT3 (EXÓN 21) (LGL cél grandes) | <input type="checkbox"/> PCR reordenamiento T (TCR β/γ) |

MIELOMA MÚLTIPLE

- | | |
|--|---------------------------------|
| <input type="checkbox"/> Cariotipo | Anotar % de células plasmáticas |
| <input type="checkbox"/> FISH Perfil Mieloma | |
| <i>Incluye TP53, IGH@, 13q14, Aneuploidías, 1q Amplificaciones, 6q23</i> | |
| <i>*Si IgH+: incluye t(4;14), t(14,16), t(11;14)</i> | |
| <i>*Si las anteriores (-): t(14;20), t(6;14)</i> | |
| <input type="checkbox"/> Mutación MYD88-L265P (Waldestrom) | |
| <input type="checkbox"/> Mutación CXCR4 (Waldestrom) | |

OTRAS

- | |
|--|
| <input type="checkbox"/> Mastocitosis: Mutación SRSF2 (Codón 95) |
| <input type="checkbox"/> LMA-SMD Familiar: Mutación GATA2 |
| <input type="checkbox"/> Leucemia mielomonocítica juvenil: PTPNM, SD1, KRAS, RAF1 |
| <input type="checkbox"/> LNH Familiar: RAD54L, CASP10, RAD54B, PNF1 |

OTRAS PRUEBAS SOLICITADAS: _____