

| Datos del paciente | Muestra |
|---|--|
| Paciente: <input type="text"/> | Código de la muestra: <input type="text"/> |
| Edad: <input type="text"/> Sexo: <input type="text"/> | Tipo de muestra: <input type="checkbox"/> Sangre periférica <input type="checkbox"/> Médula ósea |
| Fecha de toma de la muestra: <input type="text"/> / <input type="text"/> / <input type="text"/> | <input type="checkbox"/> Ganglio <input type="checkbox"/> Tejido fresco <input type="checkbox"/> Tejido parafina |
| Centro remitente | Datos clínicos |
| Centro remitente: <input type="text"/> | Diagnóstico: <input type="text"/> |
| Facultativo de contacto: <input type="text"/> | Momento diagnóstico: <input type="checkbox"/> Nuevo <input type="checkbox"/> Seguimiento |
| Teléfono de contacto: <input type="text"/> | Trasplantado: <input type="checkbox"/> Sí <input type="checkbox"/> No |
| | Recibe quimioterapia: <input type="checkbox"/> Sí <input type="checkbox"/> No |

Pruebas solicitadas

INMUNOFENOTIPO LEUCOCITARIO (Tubo EDTA extra) ARRAY CGH ONCOHEMATOLÓGICO (Tubo EDTA extra)

| Patología mieloide | Patología linfóide |
|--|---|
| <p>LEUCEMIAS MIELOIDES AGUDAS</p> <p><input type="checkbox"/> Cariotipo <input type="checkbox"/> FISH AML/ETO t(8;21)</p> <p><input type="checkbox"/> Cariotipo espectral <input type="checkbox"/> FISH inv16</p> <p><input type="checkbox"/> FISH PML/RAR t(15;17) <input type="checkbox"/> FISH TP53(17p13)</p> <p><input type="checkbox"/> FISH MLL(11q) <input type="checkbox"/> FISH BCR/ABL</p> <p><input type="checkbox"/> FISH ETV6(12p13)</p> <p><input type="checkbox"/> Mutación FLT3 (ITD) <input type="checkbox"/> Mutación WT1 (Ex 7,9)</p> <p><input type="checkbox"/> Mutación FLT3 (Ex 14,15,20) <input type="checkbox"/> Mutación C-KIT (D816V)</p> <p><input type="checkbox"/> Mutación NPM1 (Ex 12) <input type="checkbox"/> Mutación TET-2 (Ex 3-11)</p> <p><input type="checkbox"/> Mutación CEBPA GEN <input type="checkbox"/> Mutación IDH1/IDH2</p> <p><input type="checkbox"/> Mutación RAS <input type="checkbox"/> Mutación ASXL1</p> <p>SÍNDROMES MIELODISPLÁSICOS</p> <p><input type="checkbox"/> Cariotipo <input type="checkbox"/> FISH Cr 8 <input type="checkbox"/> FISH 7q31</p> <p><input type="checkbox"/> Cariotipo espectral <input type="checkbox"/> FISH 5q31-34 <input type="checkbox"/> FISH TP53(17p13)</p> <p><input type="checkbox"/> FISH 20q <input type="checkbox"/> FISH INV3 (EVI1)</p> <p><input type="checkbox"/> Mutación DNMT3A <input type="checkbox"/> Mutación TET2</p> <p><input type="checkbox"/> Mutación SF3B1 <input type="checkbox"/> Mutación ASXL1</p> <p><input type="checkbox"/> Mutación IDH1/IDH2</p> <p>LEUCEMIA MIELOIDE CRÓNICA</p> <p><input type="checkbox"/> Cariotipo <input type="checkbox"/> FISH BCR/ABL</p> <p><input type="checkbox"/> Mutación ABL <input type="checkbox"/> Mutación SETBP1 (Exón 4)</p> <p><input type="checkbox"/> PCR BCR/ABL cualitativo <input type="checkbox"/> Mutación CSF3R (T618I)</p> <p><input type="checkbox"/> PCR BCR/ABL cuantitativo <input type="checkbox"/> Mutación CALR (Exón 9)</p> <p><input type="checkbox"/> Mutación CEBPBA</p> <p>OTROS SÍNDROMES MIELOPROLIFERATIVOS</p> <p><input type="checkbox"/> Cariotipo <input type="checkbox"/> FISH 20q</p> <p><input type="checkbox"/> Mutación JAK-2 (V617F) <input type="checkbox"/> Si (-) JAK-2 (EXÓN 12)</p> <p><input type="checkbox"/> Mutación JAK-2 cuantitativo (V617F) <input type="checkbox"/> Mutación MPL (505-515)</p> <p><input type="checkbox"/> Calreticulina (EXÓN 9) <input type="checkbox"/> Mutación THPO</p> <p>SÍNDROME HIPEREOSINOFÍLICO</p> <p><input type="checkbox"/> Cariotipo <input type="checkbox"/> FISH FIP1L1PDGFRa <input type="checkbox"/> FISH PDGFRb</p> <p><input type="checkbox"/> FISH FGFR1</p> | <p>LEUCEMIAS LINFOIDES AGUDAS</p> <p><input type="checkbox"/> Cariotipo <input type="checkbox"/> FISH TP53(17p13)</p> <p><input type="checkbox"/> FISH ALK (2p23) <input type="checkbox"/> FISH RUNX1 (21q)</p> <p><input type="checkbox"/> FISH p16 (CDKN2A) <input type="checkbox"/> FISH MYB (6q23)</p> <p><input type="checkbox"/> FISH t(1;19) (TCF3/PBX1) <input type="checkbox"/> FISH ETV6 (12p13)</p> <p><input type="checkbox"/> BCR/ABL cualitativo <input type="checkbox"/> FISH BCR/ABL</p> <p>LEUCEMIA LIFOIDE CRÓNICA</p> <p><input type="checkbox"/> Cariotipo</p> <p><input type="checkbox"/> FISH Perfil LLC (Incluye TP53, ATM, 13q14, 6q23, CEP12)</p> <p><input type="checkbox"/> ZAP-70</p> <p><input type="checkbox"/> Estudio molecular PCR reordenamientos B <input type="checkbox"/> Mutación NOTCH1</p> <p><input type="checkbox"/> Estudio molecular PCR reordenamientos T <input type="checkbox"/> Mutación SF3B1</p> <p><input type="checkbox"/> Mutación TP53mut</p> <p>LINFOMA</p> <p><input type="checkbox"/> Cariotipo <input type="checkbox"/> FISH BCL-1 t(11;14)</p> <p><input type="checkbox"/> FISH MALT1 (18q21) <input type="checkbox"/> FISH BCL-2 t(14;18)</p> <p><input type="checkbox"/> FISH c-MYC <input type="checkbox"/> FISH BCL-6 (3q27)</p> <p><input type="checkbox"/> BRAF (leucemia células peludas) <input type="checkbox"/> PCR reordenamientos B (IgH)</p> <p><input type="checkbox"/> Mutación STAT3 (EXÓN 21) (LGL cél grandes) <input type="checkbox"/> PCR reordenamiento T (TCR β/γ)</p> <p style="background-color: #c00000; color: white; padding: 2px;">MIELOMA MÚLTIPLE</p> <p><input type="checkbox"/> Cariotipo Anotar % de células plasmáticas</p> <p><input type="checkbox"/> FISH Perfil Mieloma <i>Incluye TP53, IGH@, 13q14, Aneuploidías, 1q Amplificaciones, 6q23</i> <i>*Si IgH+: incluye t(4;14), t(14,16), t(11;14)</i> <i>*Si las anteriores (-): t(14;20), t(6;14)</i></p> <p><input type="checkbox"/> Mutación MYD88-L265P (Waldestrom)</p> <p><input type="checkbox"/> Mutación CXCR4 (Waldestrom)</p> <p style="background-color: #c00000; color: white; padding: 2px;">OTRAS</p> <p><input type="checkbox"/> Mastocitosis: Mutación SRSF2 (Codón 95)</p> <p><input type="checkbox"/> LMA-SMD Familiar: Mutación GATA2</p> <p><input type="checkbox"/> Leucemia mielomonocítica juvenil: PTPNM, SD1, KRAS, RAF1</p> <p><input type="checkbox"/> LNH Familiar: RAD54L, CASP10, RAD54B, PNF1</p> |

OTRAS PRUEBAS SOLICITADAS: